

التحري عن الجين $bla_{CTX-M-1}$ وعوامل الضراوة والمقاومة المتعددة للمضادات الحيوية
 في بكتريا *Pseudomonas aeruginosa*

هادي رحمن رشيد الطائي ، زينب محمد حميد و ازدهار محمد جاسم

التحري عن الجين $bla_{CTX-M-1}$ وعوامل الضراوة والمقاومة المتعددة للمضادات الحيوية في بكتريا
Pseudomonas aeruginosa

هادي رحمن رشيد الطائي¹ ، زينب محمد حميد² و ازدهار محمد جاسم³

^{1,2,3} قسم علوم الحياة - كلية العلوم - جامعة ديالى - محافظة ديالى - العراق

الخلاصة

تضمنت الدراسة جمع 176 نموذج من اخماج الحروق والجروح واخماج الاذن والمجاري البولية ، من مختلف الاجناس والاعمار، ومن مرضى راقدين و غير راقدين في المستشفى ، اظهرت النتائج ان عدد بكتريا الزائفة الزنجارية هو 20 عزلة بنسبة 11.36% بعد اجراء الفحوصات البكتيرية والكيموحيوية بأستخدام جهاز VITEK 2 لتشخيص العزلات البكتيرية. اجري اختبار الحساسية لثمانية مضادات واطهرت العزلات مقاومتها لمضادات مجموعة السيفالوسبورينات بشكل متفاوت . بلغت نسبة المقاومة للمضادات Cefotaxime ، Ceftazidime ، Cephalothin ، Cephalexin ، 90% ، 25% ، 100% ، 100% ، على التوالي . وُحِد التركيز المثبط الادنى MIC للمضادين Cefotaxime و Ceftazidime، اذ تراوح التركيز المثبط الادنى MIC لمضاد Ceftazidime ومضاد Cefotaxime 8-1024 ، 8-512 مايكروغرام/مل على التوالي . كما اجري الكشف عن انتاج العزلات البكتيرية لانزيمات البيبتالاكتاميز واسعة الطيف ، اذ بلغت نسبة العزلات المنتجة لانزيمات البيبتالاكتاميز واسعة الطيف 55% . اجري الكشف عن وجود الجين $bla_{CTX-M-1}$ ، اذ بلغت نسب العزلات الحاملة للجين 72.7% . هذا وقد تم الكشف عن بعض عوامل الضراوة التي شملت الكشف عن تكوين الاغشية الحيوية والكشف عن وجود مضخات الدفع ، واطهرت 100% من العزلات قابليتها على تكوين الاغشية الحيوية ، وامتلك 95% منها انظمة دفع.

الكلمات المفتاحية : بكتريا *P.aeruginosa* ، المقاومة الدوائية المتعددة ، جين $bla_{CTX-M-1}$ ، انزيمات البيبتالاكتاميز واسعة الطيف.

Investigation on $bla_{CTX-M-1}$, Virulence Factors and Multidrug Resistance in *Pseudomonas Aeruginosa* Bacteria

Hadi Rahman Rasheed Al-Taai ¹, Zainab Mohammed Hameed ² and Izdehar Mohammed Jasim³

^{1, 2, 3} Biology Department - College of Science - Diyala University

¹ drhadialtaai@yahoo.com

² zainab_mohammed19@yahoo.com

³ otulibaflower@yahoo.com

Received: 2 December 2016

Accepted: 9 January 2017

Abstract

One hundred seventy six clinical specimens were included in this study. These specimens included burns, wounds, ear and urinary tract infections from different ages and sex and from resident and out patients in the hospital . Twenty isolates of *P. aeruginosa* were recovered (11.36%) after do bacteriological and biochemical tests by using VITEK 2 compact .The antibiotic susceptibility patterns for 8 antibiotics were carried, the antibiotic resistance of *P. aeruginosa* isolates to cephalosporines was appeared to be variable, so that the resistant rate to Ceftazidime, Cefatoxime, , Cephalothin and Cephalexin were 90%, 25%, 100% and 100% respectively. The minimum inhibitory concentrations (MIC) of the Cefotaxime and Ceftrazidime were determined by serial double dilutions technique The MIC for Cefatoxime was 8-512, and for Ceftazidime was 8-1024. All *P. aeruginosa* isolates were investigated for detection of broad spectrum β -lactamases, 55% of the isolates were appeared to have the ability for broad spectrum β -lactamases. The detection of the presence of $bla_{CTX-M-1}$ was done , the isolates possession rate for $bla_{CTX-M-1}$ was 72.7%. Furthermore , the production of virulence factors which include the ability for the biofilms formation and the detection of efflux pumps were done , 100% of the isolates were biofilms former, and 95% of the isolates possess the efflux pumps.

Key words: *P.aeruginosa* ,MDR, $bla_{CTX-M-1}$, ES β Ls

التحري عن الجين $bla_{CTX-M-1}$ وعوامل الضراوة والمقاومة المتعددة للمضادات الحيوية
في بكتريا *Pseudomonas aeruginosa*

هادي رحمن رشيد الطائي ، زينب محمد حميد و ازدهار محمد جاسم

المقدمة

تعد بكتريا الزائفة الزنجارية *P.aeruginosa* من الانواع البكتيرية الممرضة الانتهازية والخطيرة على الصحة العامة للبشر ، اذ تعتبر من المسببات الشائعة المسؤولة عن الكثير من الاخماج عند المرضى الراقدين في المستشفيات وبدرجة اقل عند مراجعين العيادات الخارجية (Paterson,2006). تمتلك بكتريا الزائفة الزنجارية عدداً كبيراً من عوامل الضراوة التي تجعلها مسؤولة عن العديد من الاصابات التي تصيب البشر، منها تكوين الاغشية الحيوية وانتاج السموم والانزيمات التي تسبب تلف واسع النطاق في الانسجة وبالتالي الوصول الى المجرى الدموي ، مسبباً انتشار هذه البكتريا في انسجة الجسم. (Cotar et al.,2010; Mohammad,2013). تمثل الزائفة الزنجارية *P.aeruginosa* ظاهرة من المقاومة للمضادات الحيوية ، اذ تعود صعوبة معالجة الاصابات التي تسببها الى عمق المقاومة الدوائية في هذا النوع من البكتريا ، اذ تمتلك مقاومة طبيعية منها تغيير نفوذية الجدار الخارجي (Breidenstein et al.,2011)، وامتلاكها عدة مجاميع من انظمة الدفع (Morita et al.,2012). كما تنتج بكتريا الزائفة الزنجارية العديد من الانزيمات المسؤولة عن تحلل العديد من المضادات الحيوية وخصوصاً مضادات مجموعة البيتا لكتام كإنزيمات البيتا لكتاميز المعدنية β -Metallo Lctamases (M β LS) وانزيمات البيتا لكتاميز واسعة الطيف Extended Spectrum β -Lactamases (ES β LS) وانزيمات الصف الجزيئي لامبلر (AMPC) (Gellatly & Hancock,2013; Park et al.,2014)، اذ ان التعرض المستمر والعشوائي لمضادات البيتا لكتام على الخلية البكتيرية وفي المقابل انتاجها المستمر لانزيمات البيتا لكتاميز β -lactamases ادى الى حدوث العديد من الطفرات في المورثات المشفرة لانتاجها مما سبب في ظهور جينات مقاومة مشفرة لانتاج انزيمات البيتا لكتاميز واسعة الطيف التي تمنح صفة المقاومة للخلية البكتيرية تجاه الكثير من مجاميع مضادات البيتا لكتام كالبنسليينات، السيفالوسبورينات (للعديد من اجيالها) ومضادات الكاربابينيم (Strateva&Yordanov,2009; Rezai et al.,2014). حديثاً تم اكتشاف عائلة CTX-M التابعة لانماط انزيمات ES β LS، اذ تم عزل انزيم $bla_{CTX-M-1}$ من بكتريا الزائفة الزنجارية المعزولة من المرضى الراقدين في مستشفى الكاظمية التعليمي في مدينة بغداد والمصابين بالتهابات الاذن الوسطى عام 2013 ، اذ تم عزل الجين bla_{CTX-M1} من بلازميدات البكتريا (Aude et al., 2013). نظراً لاهمية الدراسات الخاصة بتحديد انواع بكتريا *Pseudomonas* المقاومة لمضادات البيتا لكتام والمسببة لاختلاج سريرية مختلفة بين الراقدين وغير الراقدين في مدينة بعقوبة جاءت هذه الدراسة لتسلط الضوء على تشخيص عزلات *Pseudomonas* والكشف عن مقاومة العزلات المحلية لبعض مضادات البيتا لكتام ، وتحديد التركيز المثبط الادنى (MIC) لبعض هذه المضادات ، الكشف عن عوامل الضراوة المنتجة من العزلات والتي تضمنت (الكشف عن انتاج الاغشية الحيوية، انتاج انزيمات البيتا لكتاميز و الكشف عن مضخات الدفع) والكشف عن وجود الجين $bla_{CTX-M-1}$ ، المشفر لانزيمات البيتا لكتاميز المحطمة لمضادات البيتا لكتام.

التحري عن الجين *bla*_{CTX-M-1} وعوامل الضراوة والمقاومة المتعددة للمضادات الحيوية
في بكتريا *Pseudomonas aeruginosa*

هادي رحمن رشيد الطائي ، زينب محمد حميد و ازدهار محمد جاسم

طرائق العمل

1. جمع العينات Collection of Samples

جمعت 176 عينة من حالات مرضية مختلفة وتضمنت 11 عينة من مسحات الحروق ، و 16 عينة من مسحات الجروح و 112 عينة من مسحات الاذن و 37 عينة ادرار ، بإستعمال Disposable Cotton Swabs و قناني بلاستيكية معقمة لجمع عينات الادرار الوسطي. زرعت العينات مباشرة بعد الجمع على وسط اكار الدم ووسط ماکونكي ، وتم تنقية العزلات على وسط *Pseudomonas agar* ، بعدها اجريت عدد من الفحوصات التشخيصية المظهرية والكيموحيوية للبكتريا المعنية بالدراسة وحسب ما جاء في (Baron et al.,2007; Pincus,2011).

2. فحص الحساسية للمضادات الحيوية Antibiotic susceptibility test

اجري اختبار حساسية البكتريا لمضادات البيتا لاكتام بالاعتماد على طريقة Kerby- Bauer method على وسط اكار مولر- هنتون وقد تم مقارنة اقطار التثبيط بحسب ماورد في (CLSI,2014) .

3. تحديد التركيز المثبط الادنى Detection of Minimal - Inhibitory Concentration حدد التركيز المثبط الادنى (MIC) لكل العزلات البكتيرية وفقاً للمعايير القياسية ل (CLSL ,2014)

4. اختبار الكشف المظهري عن مضخات الدفع Detection of efflux pumps test

اختبرت العزلات قيد الدراسة عن امتلاكها لمضخات الدفع Efflux pumps بأستخدام طريقة العجلة الخشبية EtBr- agar Cart Wheel Method بحسب ما جاء في (Martins et al ., 2011).

5. الكشف عن تكوين الاغشية الحيوية Detection of Biofilm formation

استخدمت طريقة الصفيحة الدقيقة Micro Titer Plate (MTP) وحسب ما جاء في (Almeida et al.,2013;Tang et al.,2011).

6. الكشف انتاج أنزيمات البيتا لاكتاميز واسعة الطيف Extended Spectrum β- Lactamase (ESβLs)

تم استخدام طريقة الاقراص المدمجة Combined disk Test (CDT) للكشف عن أنزيمات البيتا لاكتاميز واسعة الطيف وذلك بحسب ما جاء في (CLSI ,2011).

7. أستخلاص الحامض النووي DNA بكتريا الزائفة الزنجارية *P.aeruginosa* DNA extraction

تم عزل DNA العزلات البكتيرية المقاومة لمضادات السيفالوسبورينات بأستخدام عدة استخلاص DNA المجهزة من شركة Bioneer (Korea) ورحلت نتائج الاستخلاص بأستعمال هلام الاكاروز 1% لمدة ساعة و 30 دقيقة وبفرق جهد 75 فولت /سم وكما جاء في (Russel & Sambrook,2001).

8. الكشف عن الجين *bla*_{CTX-M-1} gene Detection of *bla*_{CTX-M-1}

اختبرت البودائ النوعية المستهدفة لجين *bla*_{CTX-M-1} في بكتريا الزائفة الزنجارية *P.aeruginosa* ووفقاً لما ذكر في (Tavajjohi et al.,2011) ، اذ كان تتابع البادئ 3- F/5-GCGATGTGCAGCACCAGTAA للامام و

التحري عن الجين *bla_{CTX-M-1}* وعوامل الضراوة والمقاومة المتعددة للمضادات الحيوية

في بكتريا *Pseudomonas aeruginosa*

هادي رحمن رشيد الطائي ، زينب محمد حميد و ازدهار محمد جاسم

3- 5-GGTTGAGGCTGGGTGAAGTA R/ للخلف وبحجم 605 زوج قاعدي ، اذ تم تحضير المحاليل الخزينة حسب تعليمات شركة Bioneer المجهزة لها بإستعمال الماء مزال الايونات ddH₂O المعقم للحصول على تركيز 100 بيكومول/مايكرو لتر. وقد تم اجراء التفاعل التضاعفي حسب ما ورد في (Lalzmapiua Dutta,2013) وكما موضح في الجدول رقم (1).

جدول (1): ظروف التجربة ومراحلها الثلاث في جهاز تفاعل البلمرة التسلسلي PCR

Gene	Initial denaturation	No of cycle	Denaturation	Annealing	Extension	Final Extension
<i>bla_{CTX-M-1}</i>	7min. at 94c	30	30s at 94c	30s at 57c	30s at 72c	5min. at 72c

9. التحليل الاحصائي: Statiatical analysis

اجري التحليل الاحصائي باستخدام برنامج الحزمة الاحصائية للعلوم الاجتماعية (Statistical package for social sciences) ذي الاصدار رقم 22 فيما يتعلق بالمتغيرات ذات الصيغة الوصفية فقد تم وصفها بصيغة العدد والنسبة المئوية وتمت المقارنة بين البيانات الوصفية باستخدام اختبار Chi-Square كما تم استخدام t-test للمقارنة بين البيانات العددية واعتبرت كل قيمة *P value* اقل من 0.05 *P value* معنوية احصائياً (Levesque,2007).

النتائج والمناقشة

1. عزل وتشخيص الزائفة الزنجارية *P.aeruginosa* Isolation and Identification of

تم الحصول على 20 عزلة بكتيرية (11.36%) من مجموع 176 عينة بالاعتماد على الصفات المظهرية والتشخيص بنظام VITEK2، بواقع (13) عزلة من اخماج الاذن و(4) عزلات من عينات الادرار و(2) عزلة من مسحات الحروق و(1) عزلة من مسحات الجروح ، اذ بلغت نسبة العزلات التي حصلنا عليها من اخماج الحروق والاذن والمجاري البولية والجروح (18.18%) ، (11.60%) ، (10.81%) ، (6.25%) على التوالي وبفارق احصائي معنوي عالي جدا ($P = 0.0001$).

2. حساسية العزلات البكتيرية للمضادات الحيوية وتحديد التركيز المثبط الأدنى and Sensitivity Test Antibiotics minimal inhibitory concentration to

اختبرت حساسية العزلات قيد الدراسة لثمانية مضادات حيوية من مجموعة البيتا لاكتام معظمها من الانواع الشائعة الاستخدام في القطر لعلاج الاخماج المختلفة ، بلغت نسبة المقاومة للمضادات Cefotaxime ، Ceftazidime ، Cephallexin

100% ، 100% ، 25% ، 90%) Piperacillin ، Ticarcillin ، Aztreonam ، Imipenem ، Cephalothin ، 0% ، 5% ، 25% ، 20%) على التوالي. اتفقت نتيجة الدراسة الحالية مع نتيجة الباحث الهندي Shaikh وزملاؤه عام 2015 ، اذ بلغت نسبة عزلات الزائفة الزنجارية المقاومة لمضاد Cefotaxime 91.49% (Shaikh et al., 2015) . خالفت هذه النتائج نتائج الباحث الهندي Shaikh وزملاؤه عام 2015 ، اذ كانت نسبة مقاومة عزلات الزائفة لمضاد Cefotaxime 91.49% (Shaikh et al., 2015). توافقت نتائج هذه الدراسة مع نتائج دراسة (Abdullah et al., 2010) ، اذ كانت جميع العزلات البكتيرية مقاومة لمضاد Cephalexin وبنسبة 100% ، كما توافقت نتائج هذه الدراسة مع ما توصلت اليه الباحثة الصفار عام 2010 ، اذ بلغت نسبة مقاومة العزلات لمضاد Cephalothin 100% (الصفار ، 2010) ، و اتفقت هذه الدراسة مع دراسة Haenni وآخرون عام 2015 ، اذ بلغت نسبة مقاومة عزلات الزائفة الزنجارية لمضاد Imipenem 0% (Haenni et al., 2015). خالفت نتائج هذه الدراسة نتائج دراسة الباحث Almarjani وآخرون عام 2015 ، اذ كانت نسبة مقاومة عزلات الزائفة الزنجارية لمضاد Aztreonam 18.5% ، (Almarjani et al., 2015). توافقت نتيجة هذه الدراسة مع دراسة Essawi وزملاؤها عام 2013 ، اذ كانت نسبة مقاومة عزلات الزائفة الزنجارية لمضاد Ticarcillin 22.5% (Essawi et al., 2013) ، وتوافقت نتيجة هذه الدراسة مع دراسة Ansari وآخرون عام 2015 ، اذ بلغت نسبة عزلات *P. aeruginosa* المقاومة لمضاد Piperacillin 16.1% (Ansari et al., 2015) . نلاحظ في هذه الدراسة إرتفاع نسبة مقاومة عزلات الزائفة الزنجارية تجاه مضادات السيفالوسبورينات والبنسلينات مثل مضاد Cefotaxime و Cephalothin و Cephalexin و Piperacillin و Ticarcillin ، اذ ابدت جميع عزلات بكتريا الزائفة الزنجارية مقاومة متعددة لمضادات البيتا لكتام ، تراوحت المقاومة من ثلاثة الى ستة مضادات ، يعود ذلك الى قدرة الزائفة الزنجارية على انتاج انزيمات البيتا لكتاميز ك انزيمات البيتا لكتاميز واسعة الطيف ESβLs والتي تعمل على تحليل البنسلينات والسيفالوسبورينات بشكل خاص ، والتي تكون جيناتها محمولة اما على الكروموسومات او على البلازميدات في العديد من انواع البكتريا والذي يؤدي الى مقاومة متعددة للمضادات الحيوية المختلفة ، بالإضافة الى تعديل بنية البروتينات الرابطة للبنسلين PBPs والتي تعد الهدف الاساس لمضادات البيتا لكتام (Ullah et al., 2009; Ocampo-Sosa et al., 2012; Abdullah and Mahdi, 2016) ، كما ان الاستخدام الواسع والعشوائي لهذه المضادات من قبل المرضى (في عدة حالات) ، قد يؤدي الى نشوء المقاومة وذلك لتوفرها وسهولة تعاطيها (عن طريق الفم) ورخص ثمنها ، اذ ان ارتفاع نسب مقاومة البكتريا بصورة عامة للمضادات الحيوية هي مشكلة من صنع الانسان وهي عالمية الانتشار ولكنها تتجلى بشكل واضح في بلدان العالم النامية مقارنة بالبلدان المتقدمة . هذا وقد حدد التركيز المثبط الأدنى (MIC) Minimal inhibitory concentration لمضاد Cefotaxime و Cefotaxime لجميع العزلات البكتيرية قيد الدراسة وقد تراوحت قيم MIC (8-1024) ، (8-512) مايكروغرام/مل للمضادين على التوالي. خالفت نتائج الدراسة الحالية نتائج دراسة Fathel عام 2013 ، اذ تراوحت قيم MIC لمضاد Cefotaxime و Cefotaxime (1-64) مايكروغرام/مل (Fadhel, 2013) .

التحري عن الجين $bla_{CTX-M-1}$ وعوامل الضراوة والمقاومة المتعددة للمضادات الحيوية

في بكتريا *Pseudomonas aeruginosa*

هادي رحمن رشيد الطائي ، زينب محمد حميد و ازدهار محمد جاسم

3. الكشف عن عوامل الضراوة Virulence factors detection

تم الكشف عن تكوين الاغشية الحيوية و اظهرت (100%) من العزلات قابليتها على تكوين الاغشية الحيوية ، اذ بلغت نسبة العزلات البكتيرية المكونة للاغشية الحيوية بشكل قوي (25%) وان (75%) من العزلات البكتيرية قد كونت الاغشية الحيوية بشكل متوسط وكما مبين في الجدول رقم (2). خالفت نتائج الدراسة الحالية نتائج الباحثة Al-Musawi عام 2014 ، اذ كانت عزلات الزائفة الزنجارية المكونة للاغشية الحيوية وبشكل قوي 45% ، بينما بلغت نسبة عزلات الزائفة الزنجارية التي كونت الاغشية الحيوية بشكل متوسط 48.3% (Al-Musawi,2014). ربما يعود السبب في اختلاف نتائج الدراسات الى عدد العزلات او مصدرها او عدد ونوع الخلايا البكتيرية في المزرعة السائلة او الطريقة المختبرية التي تم اعتمادها للمقارنة بين الحفر المزروعة وحفر السيطرة ، اضافة الى الخصائص الفيزيائية والكيميائية للصفحة المستخدمة .

جدول (2): قابلية انتاج الزائفة الزنجارية *P.aeruginosa* للاغشية الحيوية

مصدر العزلة	قيمة الامتصاصية للحفر المزروعة A عند طول موجي = 630nm	مستوى انتاج الاغشية الحيوية مقارنة بحفر السيطرة Ac
Pu	0.085	متوسط
Pe	0.085	متوسط
Pe	0.14	قوي
Pw	0.071	متوسط
Pe	0.080	متوسط
Pe	0.22	قوي
Pe	0.075	متوسط
Pe	0.079	متوسط
Pe	0.084	متوسط
PB	0.13	قوي
Pe	0.081	متوسط
Pe	0.08	متوسط
Pu	0.073	متوسط
Pe	0.088	متوسط
PB	0.089	متوسط
Pe	0.084	متوسط
Pu	0.098	قوي
Pu	0.087	متوسط
Pe	0.13	قوي
	Ac=0.049	قوي = 25% متوسط = 75% P value=0.007[S]

Pe = ear swabs, Pu = urine samples, Pw = wound swab , PB = burn swabs

A = الحفر المزروعة

AC = حفر السيطرة

ان للاغشية الحيوية تأثير كبير على الرعاية الصحية ، وتشكل نسبة 65% من اخماج المستشفيات (Hoiby et al., 2010) ، تسبب الاغشية الحيوية اصابات مزمنة ، كونها تظهر قابلية تحمل للمضادات الحيوية والمطهرات الكيميائية ومقاومة عملية البلعمة ودفاعات الجسم الاخرى وذلك لان هذه التجمعات البكتيرية تحيط نفسها بقلب صلب ولزج من عديد السكريات Extrapolysaccharide matrix الذي يستخدم لحمايتها (Davies, 2002). في مقارنة عزلات الزائفة الزنجارية الداخلة في الدراسة ، المتعددة المقاومة للمضادات الحيوية مع تكوينها للاغشية الحيوية ، تبين ان هناك علاقة بين تكوين العزلات البكتيرية للاغشية الحيوية والمقاومة المتعددة لمضادات الحياة ، اظهرت جميع العزلات المكونة للاغشية الحيوية مقاومة متعددة للمضادات الحيوية MDR خاصة مضادات السيفالوسبورينات ، اذ بلغت اعلى نسب المقاومة ، وهذه النتيجة تتفق مع نتيجة دراسة Sanchez وآخرون عام 2013 ، (Sanchez et al., 2013). بينت العديد من الدراسات ان تكوين الاغشية الحيوية مرتبط بشكل كبير مع المقاومة المتعددة للمضادات الحيوية بسبب قرب الخلايا البكتيرية من بعضها ، اذ يمنح هذا الاتصال الخلوي البكتيريا قابلية انتقال البلازميدات الفعال من خلية الى اخرى (Sanchez et al., 2013; Gupta et al., 2016). اختبرت العزلات البكتيرية الداخلة في الدراسة عن امتلاكها لمضخات الدفع ، اذ استخدم مصدر للاشعة فوق البنفسجية U.V. light للكشف المظهري عن مضخات الدفع ، بلغت نسبة العزلات التي تمتلك مضخات دفع وبكفاءة عالية 85% ، وان نسبة 10% من العزلات كانت تمتلك مضخات الدفع وبكفاءة متوسطة ، في حين امتلكت 5% من العزلات مضخات دفع بكفاءة ضعيفة وكما مبين في جدول رقم (3) .

جدول (3) : النسب المئوية لبكتريا الزائفة الزنجارية المنتجة والغير منتجة لمضخات الدفع Efflux pumps

عدد العزلات المنتجة لمضخات الدفع (%)	كفاءة مضخات الدفع
17 (85%)	كفاءة عالية High efflux pumps
2 (10%)	كفاءة متوسطة Intermediate efflux pumps
1 (5%)	لا تمتلك مضخات دفع Low efflux pumps
P value = 0.001	

ان نسبة العزلات البكتيرية التي تمتلك مضخات دفع بكفاءة عالية قريبة من نتائج دراسة ALMarjani في بغداد عام 2015 في الكشف عن مضخات الدفع في عزلات الزائفة الزنجارية *P. aeruginosa* ، اذ بلغت النسبة 76.6% (ALMarjani et al., 2015). خالفت نتائج الدراسة الحالية دراسة Suresh وآخرون عام 2016 ، اذ بلغت نسبة عزلات الزائفة الزنجارية المنتجة لمضخات الدفع بكفاءة عالية 47.82% ، وبلغت نسبة العزلات الغير منتجة لمضخات الدفع 52.17% (Suresh et al., 2016). قد يكون تفسير اختلاف نتائج الدراسة الحالية عن نتائج دراسة Suresh ، الى اختلاف عدد العزلات البكتيرية التي اجريت عليها الدراسة ، حجم العالق الجرثومي ، تراكيز الصبغة المستخدمة ، اضافة الى الطول الموجي المستخدم في الكشف عن التعبير عن مضخات الدفع . كما اظهرت الدراسة الحالية وجود علاقة بين انتاج العزلات الداخلة في الدراسة لمضخات الدفع والمقاومة المتعددة لمضادات الحياة وكما مبين في الجدول رقم (4).

التحري عن الجين *bla_{CTX-M-1}* وعوامل الضراوة والمقاومة المتعددة للمضادات الحيوية

في بكتريا *Pseudomonas aeruginosa*

هادي رحمن رشيد الطائي ، زينب محمد حميد و ازدهار محمد جاسم

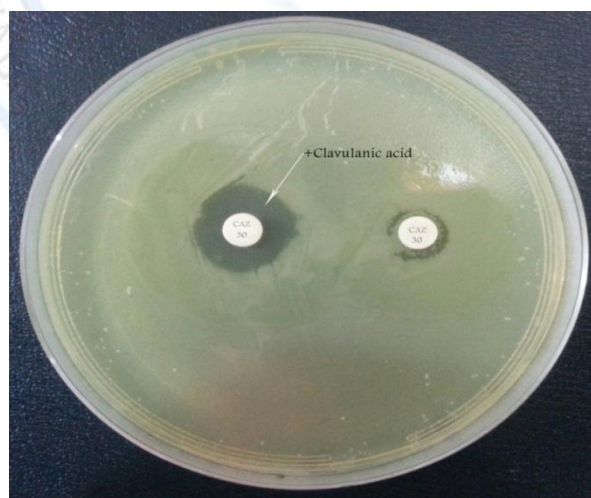
جدول (4): العلاقة بين المقاومة المتعددة في عزلات الزانفة الزنجارية ونسب انتاجها لمضخات الدفع

عدد المضادات التي قاومتها العزلات MDR	نسبة العزلات المنتجة لمضخات الدفع في العزلات متعددة المقاومة	عدد العزلات المنتجة منها لمضخات الدفع	عدد العزلات
3	90%	10	11
4	100%	5	5
5	100%	2	2
6	100%	1	1
7	100%	1	1
0.936[NS]			P value

اذ كلما ارتفعت نسبة انتاج العزلات الداخلة في الدراسة لمضخات الدفع كلما ارتفع عدد المضادات التي قاومتها العزلات ، اذ تلعب انظمة الدفع دوراً مهماً في تطور مقاومة البكتريا السالبة لملون غرام للعقاقير (Suresh *et al.*, 2016) ، اذ تعمل انظمة الدفع على دفع المضاد الحيوي خارج الخلية البكتيرية (Pearson *et al.*, 1999; Kardy, 2003) .

4. الكشف عن انزيمات البيتا لكتاميز واسعة الطيف ESβLs

تم الكشف عن انزيمات البيتا لكتاميز واسعة الطيف ESβLs ، اذ اظهرت نتائج الاختبار ان 11 عزلة من العزلات الداخلة في الدراسة كانت منتجة للانزيم وبنسبة 55% ولم يكن هناك فارق احصائي معنوي وكما مبين في الجدول رقم (5) والشكل رقم (1).



شكل (1): الكشف عن انزيمات البيتا لكتاميز واسعة الطيف في بكتريا الزانفة الزنجارية بعد التنمية على وسط مولر هنتون اكار الحاوي على قرصين لمضاد (30μg) Ceftazidime ، المضاد لأحدهما 5 مايكرو لتر من مشبث Clavulanic acid على درجة حرارة 37°م لمدة 18-24 ساعة

التحري عن الجين *bla_{CTX-M-1}* وعوامل الضراوة والمقاومة المتعددة للمضادات الحيويةفي بكتريا *Pseudomonas aeruginosa*

هادي رحمن رشيد الطائي ، زينب محمد حميد و ازدهار محمد جاسم

جدول (5): عزلات الزائفة الزنجارية المنتجة والغير منتجة لانزيمات البيتا لالاكتاميز واسعة الطيف ESβLs

مصدر العزلة	عدد العزلات الجرثومية المنتجة لانزيمات البيتا لالاكتاميز واسعة الطيف ESβLs (%)	مصدر العزلة	عدد العزلات الجرثومية غير المنتجة لانزيمات البيتا لالاكتاميز واسعة الطيف ESβLs (%)
مسحات الحروق ، الجروح ومسحات الاذن وعينات الادرار	11 (55%)	مسحات الحروق ومسحات الاذن وعينات الادرار	9(45%)
P value		0.655[NS]	

تتوافق هذه النتائج مع نتائج دراسة Shiny وزملاؤه عام 2016 ، اذ بلغت نسبة عزلات الزائفة الزنجارية المنتجة لانزيمات ESβLs 59% (Shiny et al.,2016). قد يعود السبب في الانتشار الكبير لبكتريا الزائفة الزنجارية المنتجة لانزيمات البيتا لالاكتاميز واسعة الطيف الى الاستخدام الكبير والغير ضروري لسيفالوسبورينات الجيل الاول والثاني والثالث في حالات عديدة في المعالجة المختلفة بسبب توفر ورخص ثمن هذه المضادات ، والاستخدام الخاطئ لهذه المضادات من قبل المرضى وبيعها بدون وصفات من قبل الصيادلة ، ادى الى موت العترات الحساسة فاسحة المجال للعترات المقاومة للتكاثر والانتشار خاصة في بيئات المستشفيات . تبين الدراسة الحالية انه كلما ازدادت نسبة العزلات المنتجة لانزيمات البيتا لالاكتاميز واسعة الطيف ESβLs ازادت قدرة بكتريا الزائفة الزنجارية على مقاومة المضادات الحيوية ، مما يدل على وجود علاقة ما بين المقاومة المتعددة وانتاج انزيمات البيتا لالاكتاميز واسعة الطيف ESβLs عند بكتريا الزائفة الزنجارية وكما مبين في جدول رقم (6).

جدول(6): العلاقة بين عزلات الزائفة الزنجارية المنتجة لانزيمات البيتا لالاكتاميز واسعة الطيف ESβLs والمقاومة

المتعددة لمضادات الحياة MDR

عدد العزلات	عدد العزلات المنتجة منها لانزيمات ESβLs	نسبة العزلات المنتجة لانزيمات ESβLs في العزلات متعددة المقاومة %	المقاومة المتعددة MDR
11	6	54.5	MDR(3)
5	3	60	MDR(4)
1	1	100	MDR(6)
1	1	100	MDR(7)
P value			< 0.001

ويمكن تفسير هذه النتائج بأن العناصر الوراثية الانتقالية الموجودة عند بكتريا الزائفة الزنجارية تلعب دوراً كبيراً في نقل العديد من الجينات المسؤولة عن مقاومة هذه البكتريا تجاه عدد من مجاميع المضادات الحيوية وخصوصاً الانتغرونات

التحري عن الجين $bla_{CTX-M-1}$ وعوامل الضراوة والمقاومة المتعددة للمضادات الحيوية
في بكتريا *Pseudomonas aeruginosa*

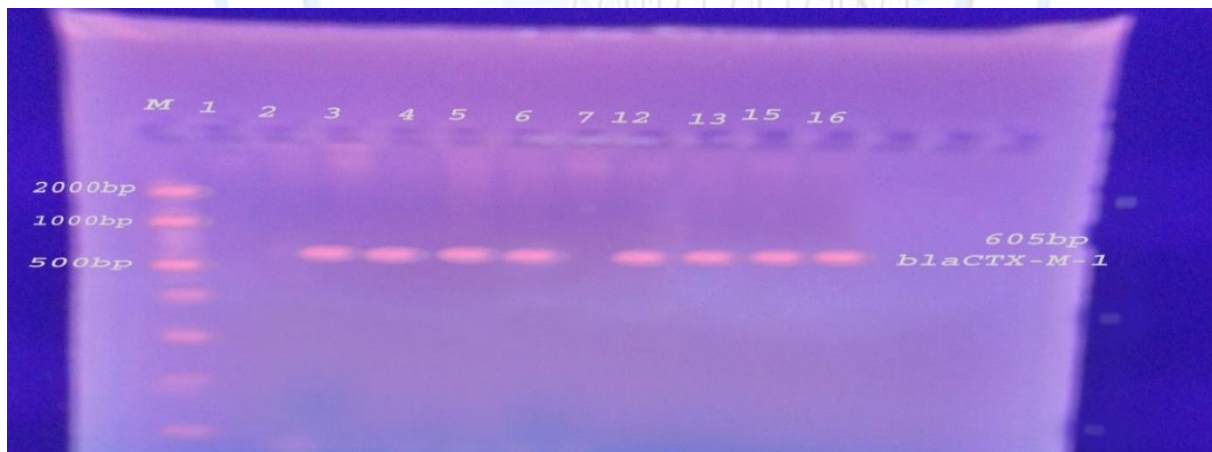
هادي رحمن رشيد الطائي ، زينب محمد حميد و ازدهار محمد جاسم

Integrans ، اذ تلعب دوراً كبيراً في اكساب بكتريا الزائفة الزنجارية صفة المقاومة المتعددة MDR ، اذ غالباً ما تترافق مع العناصر الوراثية المنقولة كالترانسبوزونات والبلازميدات (Odumosu *et al.*, 2013).

5. الكشف عن الجين $bla_{CTX-M-1}$ gene

تم الكشف عن الجين $bla_{CTX-M-1}$ في 11 عزلة (55%) من العزلات الداخلة في الدراسة، اذ كانت نتائج الكشف ان (8) عزلات كانت حاملة للجين $bla_{CTX-M-1}$ وبنسبة 72.7% وبفارق احصائي معنوي ($P=0.05$) وكما مبين في الشكل رقم (2)، اذ بينت نتائج تفاعل البلمرة المتسلسل لجين $bla_{CTX-M-1}$ انه يمتلك حجم 605 زوج قاعدي عند مقارنة الحزم المتضاعفة مع الدليل الحجمي DNA Ladder. توافقت هذه النتائج مع نتائج دراسة الباحث العراقي Al-kaabi عام 2011 ، اذ كانت نسبة بكتريا الزائفة الزنجارية الحاملة للجين $bla_{CTX-M-1}$ 83.33% (Al-kaabi *et al.*, 2011).

ان وجود الجين $bla_{CTX-M-1}$ في بكتريا الزائفة الزنجارية قد يفسر المقاومة المتعددة لمضادات البيتا لكتام ، اذ ان الجين bla_{CTX-M} يشفر لمقاومة مضادات Cefotaxime و Ceftazidime وان هذا الجين يشفر ايضا لمقاومة مضادات البنسلينات و المونوباكتام (Canton *et al.*, 2012; Moghaddam *et al.*, 2014).



شكل (2): الترحيل الكهربائي لجين $bla_{CTX-m-1}$ لبكتريا الزائفة الزنجارية بواسطة هلام الاكاروز بتركيز 1% الحاوي على 0.5µg/ML من صبغة Ethidium bromide وبأستعمال DNA ladder (100Bp-2000Bp) ، وبفرق جهد 75 فولت لمدة ساعة و 30 دقيقة ، اذ تبين المسارات 16، 15، 13، 12، 6، 5، 4، 3 وجود الجين $bla_{CTX-m-1}$ ، اما المسارات رقم 1، 2، 7 فلا تحتوي على الجين .

الاستنتاجات

اظهرت هذه الدراسة عدة إستنتاجات هي إن بكتريا الزائفة الزنجارية من المسببات المهمة لأخماج الحروق والجروح واخماج الاذن والمجاري البولية ، وإن لبكتريا الزائفة الزنجارية القابلية على المقاومة المتعددة MDR لمضادات البيتا لاكتام ومدى قابلية بكتريا الزائفة الزنجارية على إنتاج عوامل الضراوة واهمية عوامل الضراوة والجينات المشفرة لأنتاج انزيمات البيتا لاكتاميز في المقاومة المتعددة لمضادات الحياة.

المصادر

1. **Abdullah,R.M.**and **Mahdi,A.F.**(2016).Identification of *Pseudomonas aeruginosa* from clinical specimen By using 16S rDNA.Iraq Acad. Sci. J.10(1):45-49.
2. **Al-Kaabi, M.H.A.**(2011). Detection of TEM and extended spectrum β -lactamase enzymes produced By some Gram negative Bacteria using polymerase chain reaction. M. Sc. Thesis. College of Science .Al-Mustansiryah University.
3. **Al-marjani,F.;** Mohammed,R.; Abd,Y. and Mansour,F.(2015).Efflux Pumps In Colistin Resistant *Pseudomonas aeruginosa* Isolated in Baghdad. Int. J. Advan. Res.3(11):680-5.
4. **Almeida, C.;** Azevedo, N. F.; Santos, S.; Keevil, C. W. and Vieira, M. J. (2013). Correction: Discriminating Multi-Species Populations in Biofilms with Peptide Nucleic Acid Fluorescence In Situ Hybridization (PNA FISH). PLoS ONE. 8(6): 101-371.
5. **Al-Musawi, D.K.M.**(2014).Correlation of Quorum Sensing Genes with some Virulence factors in *Pseudomonas aeruginosa* . M. Sc. Thesis. College of Science.Al-Mustansiryah University.
6. **Ansari,A.;**Salman,M. and Yaqoob,S.(2015).Antimicrobial Resistance Pattern in *Pseudomonas aeruginosa* Strains Isolated at Ears Lucknow,India.International J. curr. Microbiol. App. Sci.1:48-58.
7. **AUDA, I. G.;** AL-KAKEI, S. N. H. and HAMED, S. L.(2013). Occurrence of CTX-M-I Type β -lactamases Gene in Certain Gram Negative Bacteria. IPMJ. 12(2): 306-11.

8. **Baron, E. J. ;** Finegold, S. M. and Peterson, I. L. R. (2007) .Bailey and Scotts Diagnostic Microbiology. 9th. ed. Mosby Company. Missouri.
9. **Bredenstein, E.B.M.;** Fuente-Nunez, C. and Hancock, R.E.W.(2011). *Pseudomonas aeruginosa* all roads lead to resistance. Trends Microbiol. 19(8):419-25.
10. **CANTÓN, R.;** GONZÁLEZ-ALBA, J.M.and GALÁN, J. C. (2012). CTX-M enzymes: origin and diffusion. Front Microbiol. 3(110): 1-19.
11. **CLSI.** (2011). Performance Standards for Antimicrobial Susceptibility Testing ; Twenty-First Informational Supplement M100-S21 . Clinical and Laboratory Standards Institute , Wayne, PA. USA . 30(1): 1-115.
12. **CLSI.** (2014) . Performance standards for antimicrobial susceptibility testing twenty-second informational supplement . M100-S24.Clinical Laboratory Standards Institute . 34 (1): 58-172.
13. **Cotar,A.;** Chifiriuc,M.; Dinu ,S. Bucur,M.; Iordache,C.; Banu,O.; Dracea,O.; Larion,C. and Lazar ,V.(2010). Screening of Molecular Virulence Markers in *Staphylococcus aureus* and *Pseudomonas aeruginosa* Strains Isolated from Clinical Infections.Int. J. Mol. Sci..11: 5273-91.
14. **Davies, J. C.**(2002). *Pseudomonas Aeruginosa* in Cystic Fibrosis: Pathogenesis and Persistence. Paediatric Respiratory Reviews. 3(2):34-128.
15. **Essawi,T.;**Sabri,I. and Farraj,M.(2013).Extended spectrum β -lactamase and antimicrobial susceptibility among clinical isolates of *Pseudomonas aeruginosa* in the west Bank,Palastine.J.Microbiol. Infect. dis.3 (2):56-60.
16. **Fadhel,R.A.**(2013).Inhibition of Biofilm production of *Pseudomonas aeruginosa* Isolated from patients with Diabetic Foot Ulcer Grade II . M.Sc.Thesis.College of Science.Al-Mustansiryah University. College of Science University of Baghdad.
17. **GELLATLY, S. L.;** HANCOCK, R. E. W. (2013). *Pseudomonas aeruginosa* new insights into pathogenesis and host defenses. Pathog. Dis. 67(3): 159–173.

18. Gupta,R.;Malik,A.;Rizvi,M.and Ahmed,M.(2016).Incidence of Multidrug-Resistant *Pseudomonas Spp.* In ICU Patients with Special Resistance to ESBLs, AMPC, MBL and Biofilm Production . J. Glob. Infect. Dis.8(1):25-31.
19. Haenni,M.;Hocquet,D.;Ponsin.;Cholley,P.;Guyeux,C.;Madec.J.andbertrand,x.(2015). Population structure and antimicrobial susceptibility of *Pseudomonas aeruginosa* from animal infections in France. BMC Veterinary Research.11(9):1-5.
20. HoiBy,N.; Bjarnsholt,T.; Givskov,M.; Molin,S. and Ciofu,O.(2010). Antibiotic resistance of Bacterial Biofilms. Int. J. Antimicrob. Agents. 35(4): 322–32.
21. Kadry,K.(2003).Lack of Efflux Mechanism in a Clinical Isolate of *Pseudomonas aeruginosa* Highly Resistant to Beta-Lactams and Imipenem. Folia Microbiologica .48(4): 529-33.
22. Lalzampaui,H.,and Dutta,T.K.(2013).PCR-Based Detection of Extended-Spectrum β -Lactamases(*bla*_{CTX-M-1} and *bla*_{TEM}) in *Escherichia Coli*,*Salmonella Spp.* And *Klebsiella pneumonia* isolated from Pigs in North Eastern India(Mizoram).Indian J.Microbiol. 53(3): 291–6.
23. Levesque, R. (2007) . SPSS Programming and Data Management , 4th. ed . Chicago .522 .
24. Martins, M. ; Viveiros, M. ; Couto, I. ; Costa, S. S. ; Pacheco, T. ; Fanning, S. ; Pagès, J. M. and Amaral, L. (2011) . Identification of efflux pump-mediated multidrug-resistant Bacteria By the Ethidium Bromide-agar Cartwheel Method . In Vivo. 25: 171–78.
25. Moghaddam, M. N., Beidokhti, M. H., Jamehdar, S. A., & Ghahraman, M. (2014). Genetic properties of *bla*_{CTX-M} and *bla*_{PER} β -lactamase genes in clinical isolates of Enterobacteriaceae By polymerase chain reaction. Iranian j. Basic med. sci.17(5): 378.
26. MOHAMMAD, H. H. (2013). Phenotypic Investigation for Virulence factors of Pyocine producing *Pseudomonas aeruginosa* Isolated from Burn Wounds, Iraq. IJ SER .4(7): 2114-21.
27. MORITA, Y.; TOMIDA, J.and KAWAMURA, Y. (2012). MexXY multidrug efflux system of *Pseudomonas aeruginosa*. Front Microbiol. 3(408): 1-13.

28. ODUMOSU, B. T.; ADENIYI, B. A. and CHANDRA, R.(2013). Analysis of integrons and associated gene cassettes in clinical isolates of multidrug resistant *Pseudomonas aeruginosa* from Southwest Nigeria. Annals of Clinical Microbiology and Antimicrobials. 12(29): 1-7.
29. PARK, A. J.; SURETTE, M. D.; KHURSIGARA, C. M. (2014). Antimicrobial targets localize to the extra cellular vesicle associated proteome of *Pseudomonas aeruginosa* grown in a Biofilm. Antimicrob. Res. Chemother. 5(464): 1-12.
30. PATERSON, D. L. (2006). The Epidemiological Profile of Infections with MultidrugResistant *Pseudomonas aeruginosa* and *Acinetobacter* Species. Infec. Dis. Soci. Ame. 43(2): 43–48.
31. Pearson, J.P.; Van Delden, C.and Iglewski, B.H.(1999). Active efflux and diffusion are involved in transport of *Pseudomonas aeruginosa* cell-to-cell signals. J. Bacteriol .181(4):1203-10.
32. Pincus, D. H. (2011) . Microbial Identification Using The Biomérieux Vitek® 2 System . BioMérieux, Inc. Hazelwood, MO, USA . 1: 1-32.
33. Rezai, M.S. ; Salehifar, E. ; Rafiei, A. ; Langaee, T. ; Rafati, M. ; Shafahi, K. and Eslami, G. (2014) . Characterization of multidrug resistant extended-spectrum Beta-lactamase producing *Escherichia coli* among uropathogens of pediatrics in north of iran . Biomed Research International . 23: 4847-61 .
34. Sambrook,J. and Russel,D. (2001). Detection of DNA on agarose gel.In: Sambrook J,Russel,D.W.(eds) Molecular cloning , a laboratory manual.Cold Spring Harbor Laboratory,New York, 514-18.
35. Sanchez,C.J.;Mende,K.;Beckius,M.L.;Akers,K.S.,andRomano,D.R.(2013).Biofilm formation By clinical isolates and the implications in chronic infections.BMC Infect. Dis.47:1471-34.
36. SHAIKH, S.; FATIMA, J.; SHAKIL, S.; RIZVI, S. M. D. and KAMAL, M. A.(2015).Prevalence of multidrug resistant and extended spectrum Betalactamase

التحري عن الجين *bla*_{CTX-M-1} وعوامل الضراوة والمقاومة المتعددة للمضادات الحيوية
في بكتريا *Pseudomonas aeruginosa*

هادي رحمن رشيد الطائي ، زينب محمد حميد و ازدهار محمد جاسم

- producing *Pseudomonas aeruginosa* in a tertiary care hospital. Saudi J. Biol. Sci. 22(1): 62-4.
37. Shiny,P.A.;Rajendran,S. and Sarayu,L.(2016).Astudy on isolation and antibiotic sensitivity testing of *Pseudomonas aeruginosa* isolated from patients with respiratory tract infection with special reference to phenotypic and genotypic characterization of extended spectrum Beta lactamases(ESBLs).j. med.microbiol.80-6.
38. STRATEVA, T.; YORDANOV, D. (2009). *Pseudomonas aeruginosa* a phenomenon of Bacterial resistance. J. Med. Microbiol. 58, 1133–1148.
39. Suresh,M.;Nithya,N.;Jayasree,PR.andManish,K.PR.(2016).Detection and prevalence of efflux pump-mediated drug resistance in clinical isolates of multidrug-resistant gram-negative Bacteria from north Kerala,India.Asian J. Pharma. Clin.Res.9(3):324-7.
40. Tang,J.; Kang, M.; Chen, H.; Shi, X.; Zhou, R.;Chen, J. and Du, Y.(2011). The Staphylococcal nuclease prevents Biofilm formation in *Staphylococcus aureus* and other Biofilm-forming Bacteria.Sci. China. Life. 54(9):863-9.
41. Tavajjohi, Z. Moniri, R. and Khorshidi, A. (2011). Detection and characterization of multidrug resistance and extended-spectrum-Beta-lactamasae-producing(ESBLs) *Pseudomonas aeruginosa* isolates in teaching hospital.Afri.J.MicroBiol.Res.5(20):23-28.
42. Ullah, F., Malik, S.A. and Ahmed, J. (2009). Antimicrobial susceptibility and ESBL prevalence in *Pseudomonas aeruginosa* isolated from burn patients in the north west of Pakistan. Burns 35(7): 1020-25.

المصادر العربية

1. الصفار ، بتول عبد الأمير باقر . (2010) . تأثير مستخلصات قشور البرتقال على نشاط بكتريا *Pseudomonas aeruginosa* المقاومة للمضادات الحيوية والمعزولة من التهابات جروح الحروق وجروح ما بعد العمليات في مدينة بغداد ، رسالة ماجستير ، كلية العلوم ، الجامعة المستنصرية .